



NGS в медицинской генетике

Вторая международная научно-практическая конференция

Научная программа

Суздаль
26-28 апреля 2017

Серебряные спонсоры



Спонсоры



- Организатор конференции: Федеральное государственное бюджетное научное учреждение «Медико-генетический научный центр»
- При финансовой поддержке Федерального агентства научных организаций и Российского фонда фундаментальных исследований

– **Даты проведения: 26-28 апреля 2017 г.**

- Заезд участников конференции: 26 апреля
- Регистрация участников: 26 апреля 10:00 - 12:00
- Работа выставки конференции: 26-27 апреля

– **Место проведения:** г. Суздаль, ул. Ленина, 45, отель «Пушкарская слобода»

– **Питание**

- Завтраки включены в стоимость номера (*ресторан «На Пинаихе»*)
- Обеды и ужин 26.04 включены в стоимость пакета участника (*ресторан «На Пинаихе»*)
- Кофе-брейки (*на территории конференции и выставки*)
- Банкет по приглашениям 27.04 в 20-00 (*Романовский зал*)

– **Бейджи обязательны для доступа на территорию конференции, выставки и организованного питания** (*в случае потери, пожалуйста, обращайтесь на стойку регистрации*)

– **Организованный трансфер для участников**

- К открытию конференции: 26.04 от ж/д вокзала Владимира в 09:00
- После закрытия конференции: 28.04 из «Пушкарской слободы» до ж/д вокзала Владимира в 16:45

– **Сайт конференции:** ngs.med-gen.ru

– **Контакты оргкомитета:** mgngs@med-gen.ru



Схема комплекса Пушкирская Слобода



1 **Служба размещения** Reception

РЕСТОРАНЫ

restaurants

- 2 **ресторан «Пушкаръ»**
the «Pushkar» restaurant
- 3 **летняя веранда ресторана «На Пинайхе»**
summer terrace «Na Pinaikhe» restaurant
- 4 **ресторан «На Пинайхе»**
the «Na Pinaikhe» restaurant
- 5 **бар «Фондюе»** the «Fondue» bar
- 6 **ресторан «Улей»**
the «Uley» restaurant

КОНФЕРЕНЦ-ЗАЛЫ

conference-halls

- 8 **«Петровский»**
the «Petrovskiy»
- 9 **«Романовский»**
the «Romanovsky»
- 10 **«Александровский»**
the «Alexandrovskiy»
- 11 **«Ломоносовский»**
the «Lomonosovskiy»
- 12 **SPA-центр, Русская баня**
SPA-centre, Russian bath

корпус «Купеческий»
номера 24-67
the «Kupchesheskiy» building
rooms 24-67

корпус «Княжеский»
номера 68-71
the «Knyazheskiy» building
rooms 68-71

корпус «Боярский»
номера 72-87
the «Bojarskiy» building, rooms 72-87

Царский дом
номера 88-91
the Royal House, rooms 88-91

корпуса «Русское подворье»
номера 1-23
the «Russkoye podvorye»
wooden houses, rooms 1-23

корпус «Палааты»
номера 401-469
the «Palaty» building, rooms 401-469

Въезд/Вход
Entrance

Въезд/Вход
Entrance

Въезд/Вход
Entrance

Владимир, Москва Vladimir, Moscow

улица Ленинградская
Leningrad str.

улица Ленинградская
Leningrad str.

улица Пушкирская
Pushkinskaya str.

река Каменка
Kamenka river

Центр горбда
Center of the town

Workshop – интерактивное обсуждение по заданной тематике. Ведущий сам определяет удобный формат: рассказ, презентация или семинар с решением задач. Участники имеют возможность общаться, задавать вопросы и делиться своим опытом. Время проведения – 40-45 минут.

WorkShop 1. Организация работы лаборатории высокопроизводительного секвенирования

Ведущий – А.С. Танас

Модераторы – А.Н. Тюльпаков, А.В. Поляков

Будут обсуждаться вопросы, связанные с организацией и проведением «мокрых» работ в лаборатории ВПС, начиная от разработки дизайна панели для секвенирования, пробоподготовки и заканчивая запуском геномного секвенатора. Исходно проведение данных работ регламентируется протоколами производителей приборов и реагентов к ним. Однако, каждая лаборатория в процессе работы находит оптимальные подходы для решения своих задач. Все они направлены на сокращение времени работ, уменьшения стоимости секвенирования, увеличения качества и надежности получаемых данных.

WorkShop 2. Первичная биоинформатическая обработка NGS данных

Ведущий – А. Некрутенко

Модераторы – О.В. Калинина, А.С. Танас

После ВПС полученные данные претерпевают многоэтапную обработку. Для этого сегодня существует множество различных решений. Обсудим какие решения бывают, в чем их плюсы и минусы, а также чего ждать в будущем.

WorkShop 3. Опыт работы зарубежных клиничко-диагностических центров

Ведущий – Р.Б. Юсупов

Модераторы – Е.Л. Дадали, А.В. Поляков

Будет представлен опыт работы клиничко-диагностических центров США. Вопросы для обсуждения: как организована работа клинических генетиков, проблемы покрытия генетических тестов медицинскими страховками, как происходит выбор лаборатории для ДНК-теста, как осуществляется интерпретация тестов и т.д. Также обсудим клинические дилеммы и их решения генетическим анализом.

WorkShop 4. Разбор клинических случаев из своей практики

Ведущие – Е.В. Заклязьминская, В.В. Стрельников

Модераторы – В.В. Стрельников, А.Н. Тюльпаков

Анализ данных высокопроизводительного секвенирования и интерпретация полученных результатов является одной из самых сложных задач. Для успешного её решения необходимо хорошо понимать как молекулярную, так и медицинскую генетику. На что стоит обращать внимание? Где кроются подводные камни? Постараемся найти ответы на эти и другие вопросы, изучая примеры анализа клинических случаев из практики.

WorkShop 5. Функциональный анализ мутаций

Ведущий – М.Ю. Скоблов

Модераторы – А.Н. Тюльпаков, А.В. Марахонов

В результате ДНК-диагностики помимо патогенных мутаций выявляются и геномные варианты с неопределённой клинической значимостью. Единственный способ оценки их патогенности – экспериментальное исследование с функциональным анализом мутаций. Как его проводят? Для каких случаев? Что для этого нужно? Всё, что вы хотели узнать, но боялись спросить, будем детально обсуждать вместе.

26 апреля, среда

10:00 – 12:00	Регистрация	
12:00 – 12:05	Открытие конференции. О.И. Резник, С.И. Куцев	
Председатели: С.И. Куцев, А.В. Поляков		
12:05 – 12:35	Персонализированные подходы к лечению наследственных заболеваний на основа анализа генома	С.И. Куцев
12:35 – 13:05	NGS: Что день грядущий нам готовит?	А.В. Поляков
13:05 – 13:35	NGS в диагностике моногенных эндокринных заболеваний	А.Н. Тюльпаков
13:35 – 14:30	Обед	
Председатели: С.И. Куцев, Е.Ю. Захарова		
14:30 – 14:55	Неинвазивный пренатальный ДНК-скрининг анеуплоидий по крови матери: особенности и ограничения метода	Е.С. Шубина
14:55 – 15:15	Преимплантационный генетический скрининг методом NGS – неотъемлемый этап к успешной реализации программ ВРТ	Ж.И. Глинкина
15:15 – 15:35	Перспективы использования секвенирования нового поколения для анализа внутривольной жидкости бластоцисты человека при проведении ПГД	Н.А. Скрыбин
15:35 – 15:50	Преимплантационный генетический скрининг со скоростью света	А. Богомолов
15:50 – 16:30	WorkShop 1. Организация работы лаборатории высокопроизводительного секвенирования	А.С. Танас
16:30 – 17:00	Кофе-брейк	
Председатели: А. Некрутенко, М.Ю. Скоблов		
17:00 – 17:30	Глубинное обучение в вычислительной биологии и идентификация патогенных аминокислотных замен	И.О. Корвиго
17:30 – 18:00	Функциональная аннотация несинонимичных однонуклеотидных вариантов, ассоциированных с различными заболеваниями, с помощью моделирования трехмерной структуры соответствующих белков и их комплексов	О.В. Калинина
18:00 – 18:15	Новые разработки New England Biolabs: от выделения ДНК до таргетного обогащения NGS	К.В. Болаева
18:15 – 19:00	WorkShop 2. Первичная биоинформатическая обработка NGS данных	А. Некрутенко
19:00 – 20:00	Постерная сессия	
20:00 – 22:00	Ужин	

27 апреля, четверг

8:00 – 9:00	Завтрак	
Председатели: Е.Л. Дадали, Р.Б. Юсупов		
9:00 – 9:25	Проблемы, возникающие у врача-генетика при трактовке результатов секвенирования экзома нового поколения	Е.Л. Дадали
9:25 – 9:55	Как NGS меняет наше представление о корреляциях между фенотипом и генотипом	Р.Б. Юсупов
9:55 – 10:10	The power of microarrays and NGS synergy	A. Rico
10:10 – 10:55	WorkShop 3. Опыт работы зарубежных клиничко-диагностических центров	Р.Б. Юсупов
10:55 – 11:25	Кофе-брейк	
Председатели: Е.Ю. Захарова, В.В. Стрельников		
11:25 – 11:50	Таргетные панели генов и оценка их эффективности для диагностики наследственных болезней обмена веществ	Е.Ю. Захарова
11:50 – 12:15	NGS в ДНК-диагностике наследственных и врожденных онкозаболеваний	В.В. Стрельников
12:15 – 12:30	NGS в ДНК-диагностике ретинобластомы	Е.А. Алексеева
12:30 – 12:45	Аналитическая валидация таргетных панелей на наследственные заболевания	Т. Симакова
12:45 – 13:00	Таргетное секвенирование: кроссплатформенное решение	М.И. Чухряева
13:00 – 14:00	Обед	
Председатели: Е.В. Заклязьминская, А.А. Костарёва		
14:00 – 14:30	Опыт использования NGS для диагностики сердечно-сосудистых заболеваний	Е.В. Заклязьминская
14:30 – 15:00	Hot spot мутации в гене <i>FLNC</i> как причина рестриктивной кардиомиопатии, ассоциированной с врожденной миопатией	А.А. Костарёва
15:00 – 15:15	Автоматизация пробоподготовки библиотек НК на самых современных станциях Biomek I-series	И. Сахарова
15:15 – 16:00	WorkShop 4. Разбор клинических случаев из своей практики	Е.В. Заклязьминская, В.В. Стрельников
16:00 – 16:30	Кофе-брейк	
Председатели: А.В. Лавров, Е.Л. Дадали		
16:30 – 17:00	Чего ожидать от NGS в диагностике недифференцированной генетической умственной отсталости?	А.В. Лавров
17:00 – 17:20	Полноэкзомное секвенирование в изучении генетических факторов риска болезни Паркинсона	М.В. Шульская
17:20 – 17:35	Genomics in the era of big data and Next Generation Sequencing	F. Graedler
17:35 – 17:50	Систематическая коррекция проблемы референсных минорных аллелей при аннотации и интерпретации вариантов	Ю.А. Барбитов
17:50 – 18:00	Групповая фотография. Романовский зал	
18:00 – 20:00	Перерыв	
20:00 – 22:00	Банкет	

28 апреля, пятница

8:00 – 9:00	Завтрак, Check-out	
Председатели: В.Е. Раменский, М.Ю. Скоблов		
9:00 – 9:30	Полногеномное секвенирование когорты зеленых мартышек как инструмент биомедицинских исследований	В.Е. Раменский
9:30 – 10:00	Мутации сплайсинга	М.Ю. Скоблов
10:00 – 10:30	Патогенные мутации и генное окружение: современный взгляд на взаимодействия генов в эпоху HTS	А.В. Марахонов
10:30 – 10:45	Биобанкинг как основа для проведения современных биомедицинских исследований	А.И. Муравьев
10:45 – 11:30	WorkShop 5. Функциональный анализ мутаций	М.Ю. Скоблов
11:30 – 12:00	Кофе-брейк	
Председатель: С.И. Куцев		
12:00 – 13:55	Круглый стол. Обсуждение Правил проведения высокопроизводительного секвенирования	Все участники
13:55 – 14:00	Закрытие	С.И. Куцев
14:00 – 15:00	Обед	
16:45	Отъезд автобуса	

Анонсы предстоящих мероприятий



С 22 по 25 июля в Москве состоится вторая школа анализа данных «NGS в медицинской генетике». В работе школы примут участие как российские, так и зарубежные ведущие специалисты по применению NGS. Большая часть времени обучения будет посвящена развитию практических навыков анализа NGS данных, полученных при секвенировании как панелей и экзоменов, так и полных геномов пациентов. Во время обучения вы сможете освоить проверку качества данных секвенирования, аннотацию найденных генетических вариантов, определение мутации, приводящей к заболеванию. Во время занятий вы не раз пройдёте самостоятельно весь путь от анализа NGS-данных и клинической картины пациента до формирования своего собственного заключения. В конце 4-х дневного курса будет проведен экзамен и успешно сдавшие его слушатели получат сертификаты выпускников Школы.

Заявки о регистрации на Школу можно оставлять на сайте:

<http://ngs.med-gen.ru/NGSchool-17>

26 июля в Москве состоится школа «Функциональная геномика в эру NGS». На Школе вы сможете узнать все аспекты функционального анализа мутаций, выявляемых в результате NGS анализа. Для каких генов возможно проведение функционального анализа? В каких системах? Как? Мутации в кодирующей и в нетранслируемых частях гена, синонимичные и несинонимичные, мутации сплайсинга, регуляторные – все они будут подробно освещены на предмет экспериментальной возможности проведения функционального анализа для подтверждения их патогенности.

Заявки о регистрации на Школу можно оставлять на сайте:

<http://ngs.med-gen.ru/FGenomicsSchool-17>

Технология Ion AmpliSeq™



Простая и доступная технология таргетного NGS

Панели **Ion AmpliSeq™** в сочетании с системами **Ion S5™** и **Ion Chef™** :

- Анализ полного экзона
- Секвенирование панелей генов, связанных с наследственными болезнями
- Планирование семьи, скрининг новорожденных, установление причин заболеваний



GeneChip™ Scanner 3000 7G

Система для анализа гибридизационных ДНК-чипов
высокого разрешения:

- Высокопроизводительное генотипирование SNP
- Полногеномный анализ изменения числа копий (CNV) и других хромосомных aberrаций
- Молекулярное кариотипирование для инвазивной диагностики хромосомных аномалий
- Выявление генетических факторов, ответственных за задержки физического и умственного развития

Узнайте больше на нашем сайте: thermofisher.com



SkyGen



NEW ENGLAND
BioLabs Inc.



Sorenson™
BioScience, Inc.



NIMAGEN

Компания «СкайДжин» – молодой игрок на рынке реагентов и оборудования для генетических лабораторий. Одним из важнейших направлений, которые мы развиваем – обеспечение реагентами для пробоподготовки перед секвенированием NGS на различных платформах, включая Illumina и Ion Torrent. Среди наших клиентов – крупнейшие потоковые лаборатории России, осуществляющие массивное параллельное секвенирование.



Сегодня мы можем обеспечить полностью процесс пробоподготовки перед секвенированием NGS, начиная с лабораторного пластика и общелабораторного оборудования, до наборов для подготовки библиотек ДНК, РНК, малых РНК и наборов олигонуклеотидов к ним.

ЧТО МЫ МОЖЕМ ПРЕДЛОЖИТЬ ЛАБОРАТОРИЯМ, ЗАНИМАЮЩИМСЯ СЕКВЕНИРОВАНИЕМ NGS:

1. Готовые наборы для приготовления библиотек NEBNext от компании New England Biolabs. Включая наборы для приготовления библиотек ДНК (#E7645, #E6270, #E6285), SNP-ДНК (#E6240), РНК, малых РНК (#E7330), мРНК (#E6110).

2. Вспомогательные наборы для фрагментации ДНК (#M0348), избавления от рибосомальной РНК (#E6310), обогащения мРНК (#E7490), обогащения ДНК микробиома (#E2612), восстановления ДНК из FFPE (#M6630).

3. Наборы олигонуклеотидов для платформы Illumina (#E7335), включая наборы с двойным баркодированием (#E7600) и метилированными адаптерами (#E7535).

4. Набор для оценки количества библиотек при помощи real-time ПЦР (#E7630).

5. Набор для очистки ДНК на магнитных частицах от Nimagen (#AP500, #AP050, #AP005).

6. Весь спектр лабораторного пластика от Sorenson.

Все предлагаемые наборы являются полными аналогами оригинальных наборов для пробоподготовки (в случае наборов для Illumina – аналогами технологии TruSeq).

СРЕДИ ДОСТОИНСТВ НАШЕЙ КОМПАНИИ:

1. Быстрые поставки реагентов в течение 2-х недель после заказа.

2. Доступные цены по сравнению с оригинальными реагентами, и аналогичное высокое качество всего спектра продуктов для пробоподготовки NGS.



ООО «СкайДжин»

115093, Москва, ул. Люсиновская, д. 36, стр.

Тел: +7 (495) 215-02-22

Бесплатная линия по всей России: 8 (800) 333-12-26

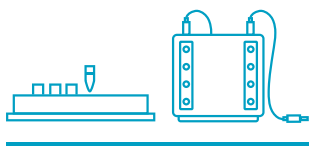
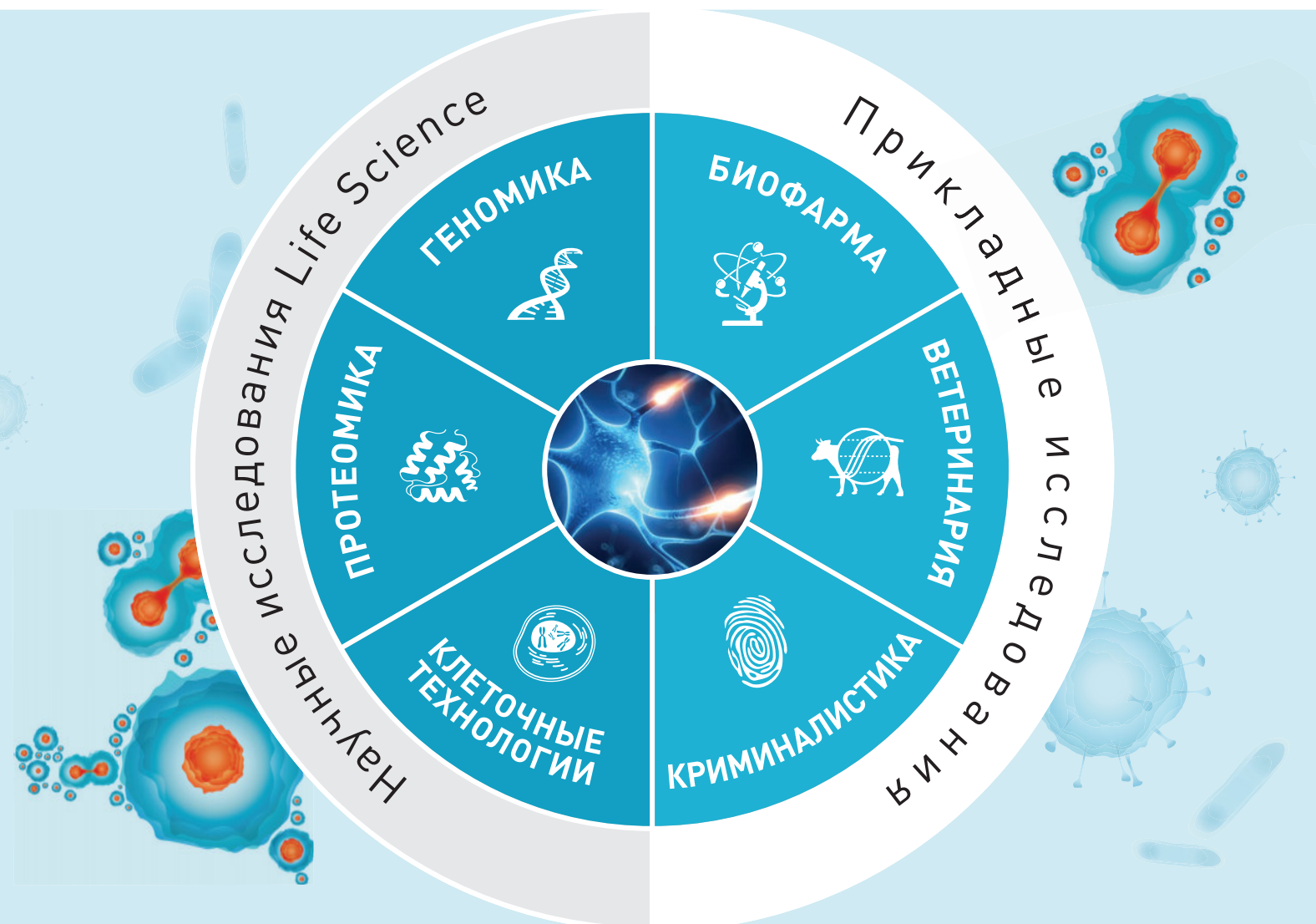
Email: info@skygen.com

Сайт: www.skygen.com



Компания Хеликон обеспечивает полный рабочий процесс необходимым оборудованием и расходными материалами для молекулярной и клеточной биологии и прикладных исследований.

ДЕЛАЕМ ВОЗМОЖНОЙ РАБОТУ ЛАБОРАТОРИЙ В РОССИИ НА МИРОВОМ УРОВНЕ



ООО «Компания Хеликон» поставляет передовые решения ведущих мировых брендов и производит лабораторное оборудование для молекулярной биологии.

Подробнее на сайте www.helicon.ru



ДОСТАВКА



ОБУЧЕНИЕ



**СЕРВИСНОЕ
ОБСЛУЖИВАНИЕ**



**МЕТОДИЧЕСКАЯ
ПОДДЕРЖКА**

Центральный офис:

119991 г. Москва, Ленинские Горы, МГУ, д. 1, стр. 40
Тел. 8 (800) 770-71-21 Факс +7 (495) 930-00-84
mail@helicon.ru

www.helicon.ru

Представительство в Сибирском регионе:

630090 г. Новосибирск, ул. Инженерная, 28
Тел. +7 (383) 207-84-85, novosibirsk@helicon.ru

Представительство в Северо-Западном Регионе:

195267 г. Санкт-Петербург, ул. Ушинского, д. 5, корп. 2, лит. А, пом. 1-Н
Тел. +7 (812) 244-85-52, spb@helicon.ru

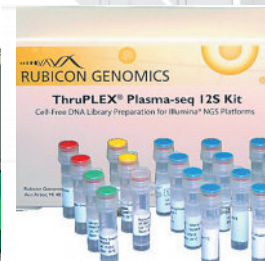
Представительство в Приволжском регионе:

420107 г. Казань, ул. Университетская, д. 22, оф. 107
Тел. +7 (843) 202-33-37, volga@helicon.ru

Представительство в Южном регионе:

344116 г. Ростов-на-Дону, ул. 2-ая Володарская, д. 76/23а
Тел. +7 (863) 294-87-66, rostov@helicon.ru

КОМПЛЕКСНЫЕ РЕШЕНИЯ ДЛЯ МОЛЕКУЛЯРНОЙ ДИАГНОСТИКИ ОТ КОМПАНИИ БИОХИММАК



ВЫДЕЛЕНИЕ И ОЧИСТКА НУКЛЕИНОВЫХ КИСЛОТ:

- Выделение ДНК, РНК, микроРНК из любых типов образцов (жидкая биопсия, FFPE, кровь, ткани и т.д.) колоночным методом с помощью наборов **Analytik Jena**. Широкий спектр решений, вменяемые цены при всегда высоком качестве, а также прямые отгрузки со склада в Москве.
- Линейка станций для автоматизированного выделения нуклеиновых кислот. От 16 до 96 образцов на Ваш выбор. Экономьте Ваше время, не делая существенных затрат.

ОЦЕНКА КАЧЕСТВА И КОЛИЧЕСТВА ВЫДЕЛЕННЫХ НУКЛЕИНОВЫХ КИСЛОТ:

- Автоматический капиллярный гель-электрофорез **BiOptic** – анализ образца менее 2-х минут, разрешение в 2 нуклеотида, микропланшетный формат, картридж на 200 образцов. Система **Qsep Fragment Analyzer** от **BiOptic** – самая доступная модель на рынке.
- Ячейки и гели для электрофореза от немецкого производителя **Analytik Jena** – качество, не требующее доказательств;
- Система оценки остаточного количества ДНК при создании фармпрепаратов **Threshold** от **Molecular Devices** – входит в обязательный список оборудования для получения GLP при производстве и тестировании биотехнологических субстанций.

РАЗНООБРАЗИЕ АНАЛИТИЧЕСКИХ РЕШЕНИЙ ДЛЯ МОЛЕКУЛЯРНОЙ ДИАГНОСТИКИ:

- **MLPA** – изящное решение для ваших молекулярно-генетических исследований: SNP, CNV, NGS исследования, разнообразие наборов с возможностью их компиляции в одном запуске.
- **GenDx** – решение для HLA-типирования на платформах Illumina: простая пробоподготовка, плюс интуитивное программное обеспечение – это GenDx: трансплант диагностика нового поколения.
- **Rubicon Genomics** – подготовка библиотек Illumina из одной клетки, внеклеточной циркулирующей ДНК (жидкая биопсия), возможности полногеномной амплификации для разнообразного спектра задач.
- **Система цифровой ПЦР QX200** от компании **BioRad** – третье поколение технологии ПЦР для наиболее чувствительных и высокопроизводительных молекулярно-биологических исследований.
- **INFINITI** – автоматическая система анализа на микрочипах: объединение всех процедур анализа ДНК в одном приборе; мультиплексный анализ до нескольких десятков генетических маркеров в одной пробе; >50 тестов для диагностики онкологических, инфекционных, наследственных заболеваний, болезней с предрасположенностью и определения индивидуального типа метаболизма фармпрепаратов.
- **BioMek** – станции для автоматизации подготовки NGS библиотек от **Beckman Coulter** – сделайте рутину легче, а Ваши исследования масштабнее.




ЗАО БиоХимМак / 119991 Москва, Ленинские Горы, МГУ имени М.В. Ломоносова, д.1, строение 11 / телефон (495) 647-27-40, 939-10-60 / факс (495) 939-09-97 / e-mail: info@biochemmack.ru / www.biochemmack.ru

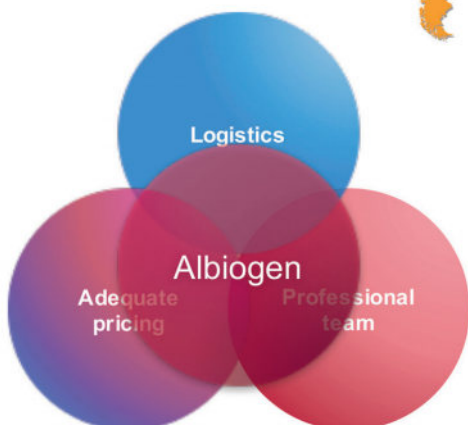
Illumina — совершенные решения для геномных исследований и диагностики



Компания Illumina Inc. (Сан-Диего, США) является мировым лидером в области секвенирования нового поколения (NGS). Секвенаторы Illumina позволяют проводить генетические исследования для науки, медицины, сельского хозяйства, ветеринарии и криминалистики.



Более 90% опубликованных научных данных, связанных с технологиями секвенирования нового поколения, сделаны на платформах Illumina.



Компания Альбиоген, являясь официальным представителем Illumina, предоставляет услуги по продаже, технической поддержке и гарантийному обслуживанию продукции Illumina на территории Российской Федерации, Республики Беларусь и Казахстана.

Заметь! Заподозри! Исключи!

ЧТОБЫ НЕВИДИМАЯ БОЛЕЗНЬ НЕ ОСТАЛАСЬ НЕЗАМЕЧЕННОЙ, задайте пациентам с жалобами на мышечную слабость следующие вопросы¹:

1

Присутствует ли у пациента хотя бы один из следующих симптомов, указывающих на медленно прогрессирующую мышечную слабость плечевого пояса?

- Трудности во время мытья головы
- Трудности при подъеме различных предметов на уровень выше головы

2

Есть ли у пациента хотя бы один из симптомов, указывающих на слабость мышц диафрагмы?

- Утренние головные боли
- Эпизоды головокружения в течение дня
- Нарушения сна
- Нарушения дыхания в положении лежа

3

Присутствует ли у пациента хотя бы один из следующих симптомов, указывающих на медленно прогрессирующую мышечную слабость в тазовом поясе?

- Трудности при подъеме по лестнице
- Трудности при попытке встать из положения сидя
- Трудности при подъеме из положения лежа
- Походка вразвалку

4

Наблюдается ли повышение уровня КФК?

При положительном ответе хотя бы на два из четырех вопросов, пожалуйста, направьте пациента к врачу-генетику или позвоните на горячую линию для уточнения лабораторий, проводящих бесплатную диагностику 8 (800) 100-24-94.

Данная информация предназначена только для специалистов здравоохранения.

1. Dubrovsky A, Corderi J, Karasarides T, Taratuto A. L. Pompe disease, the must-not-miss diagnosis: A report of 3 patients. Muscle Nerve. 2013. Apr; 47 (4): 594-600.

SANOFI GENZYME 



ХИМЭКСПЕРТ

Ion AmpliSeq -

ВЫСОКОПРОИЗВОДИТЕЛЬНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ
ПОД РАЗНЫЕ ЗАДАЧИ БЕЗ ЛИШНИХ УСИЛИЙ



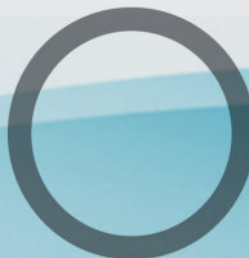
Технология ультрамультиплексной ПЦР, сопряженной с последующим секвенированием **AmpliSeq** - это оптимальный метод для массового скрининга большого количества мишеней.

С помощью панелей **Ion AmpliSeq** методом **NGS** на приборах IonTorrent можно:

- проводить идентификацию патогенов и инфекций
- диагностировать наследственные и онко-заболевания
- секвенировать целые гены или экзоны
- секвенировать геномы микроорганизмов
- анализировать экспрессию генов
- определять происхождение организмов

На 1 пул праймеров достаточно 10 нг ДНК, обычно для получения 1 библиотеки используется 2 пула праймеров и 20 нг ДНК соответственно.

Уже готовые панели Ion AmpliSeq помогут быстрее спланировать эксперимент. На сегодняшний день имеются 53 готовые панели. Помимо этого, возможно создать свою собственную панель при помощи он-лайн инструмента Ion AmpliSeq Designer. Благодаря понятному и удобному интерфейсу, его использование не вызовет никаких трудностей.



ion torrent

ООО "Агентство Химэксперт"
Тел: +7(495)629 28 69, 650 36 66
info@khimexpert.ru, www.khimexpert.ru